

TALLER CIBERER: HERRAMIENTAS Y APLICACIONES BASADAS EN BIOLOGÍA DE SISTEMAS PARA EL ESTUDIO DE ENFERMEDADES RARAS

Ante la llegada de la secuenciación de exomas y genomas completos se hacen necesarias herramientas que ayuden a favorecer nuevos descubrimientos, este es el objetivo de la Biología de Sistemas aplicada al estudio de enfermedades raras.

PROGRAMA:

Modera: Beatriz Morte (ENoD, CIBERER)
Módulos de 20-25' y 5-10' de preguntas

Módulo 1. 15:00-15:30. DISGENET plus: plataforma de conocimiento sobre genes y variantes asociadas a enfermedades.
Laura I. Furlong (Institut Hospital del Mar d'Investigacions Mèdiques-UPF, Medbioinformatics Solutions SL)

Módulo 2. 15:30-16:00. Evaluación de la información fenotípica de pacientes y su uso para la identificación de elementos causantes de la enfermedad.
Elena Rojano (Universidad de Málaga, U741)

Módulo 3. 16:00-16:30. Priorización de genes candidatos en enfermedades raras
Pablo Mínguez (IIS-Fundación Jiménez Díaz, U704)

Módulo 4. 16:30-17:00. Análisis mecanístico de rutas: aplicaciones en el estudio de enfermedades raras.
María Peña Chilet (Fundación Progreso y Salud, U715)

Mesa redonda. 17:00-17:30.
Joaquín Dopazo (Fundación Progreso y Salud, U715), Juan Antonio Garcia-Ranea (Universidad de Málaga, U741), María Peña Chilet (Fundación Progreso y Salud, U715), Elena Rojano (Universidad de Málaga, U741), Pablo Mínguez (IIS-Fundación Jiménez Díaz, U704).

ciberer iscii

Cuándo: 1 de diciembre de 2022, de 15:00-17:30

Dónde: Online (TEAMS)

Organiza: Grupo de trabajo de Bioinformática CIBERER (WP7 Biología de Sistemas)

Haz tu inscripción aquí: [Link!](#)

NO SE ENTREGARÁN CERTIFICADOS DE ASISTENCIA.

Comité organizador: Elena Rojano (Universidad de Málaga, U741), Pedro Seoane (Universidad de Málaga, U741), María Peña Chilet (FPS, U715), Pablo Mínguez (IIS-FJD, U704), Beatriz Morte (ENoD, CIBERER), Miguel López Heredia (CIBERER).

